กดปุ่ม Submit แล้ว จะได้ผลออกมาหน้าตาแบบนี้ครับ สำหรับวิชานี้ จะแนะนำการใช้งานเบื้องต้นเท่านั้น นิสิตที่สนใจเรียนทางด้านนี้โดยเฉพาะ สามารถศึกษาเพิ่มเติมเชิงลึกได้ด้วยตนเองครับ

	®				Bi	ew england oLabs* stay GENUINE
version 3.0.15				WELCOME G	UEST, SIGN IN OR SIGN UP	─ FEEDBACK ? HELP
Create New Project	M28443.1					Download
Graphical View	Display 😧		Cleavage 😧	Supplier 😧	Site 😧	
Enzyme List	Circular	 1 cutters 2 cutters 	Blunt-End Cut Cuts 1 strand 5' Extension	 NEB Other supplier Not commercially available 	 Affected by CpG me # Affected by other me () Ambiguous site 	thylation thylation
Sequence	Alternative	3 cutters	3' Extension			
ORF Summary		List 0 cutters				
Flanking Sites	Show flanks					
Custom Digest	+			AMY2A		
Results For: Edit Enzymes: - Supplier: NEB - Type: Type I, II, III, Homing, Nicking ORFs: - Min: 100 aa - Loaded from input file Sequence Information: GC = 41%, AT = 59%	- 2 0	■ 1 Bailer B	-Bglil -Styl -Bsal -BtgZI* inil .p1286i eYI	-Pstl -Stri -Stri -Pstl -Nci* -Nci* -Nci* -Nci* -Nsi* -Nsi* -Nsi* -Stri -Nsi* -Nsi* -Nsi* -Stri -Nci* -Nsi* -Nsi* -Nsi* -Nci -Nci* -Nci -Nci* -Nci* -Nci* -Nci* -Nci* -Nci -Nci -Nci -Nci -Nci -Nci -Nci -Nci	-Acil* -PluTI* -SfoI* -BsaHI* -Nari* -BanI -KasI* -BapDI* -ClaI* -PHFI -Tth1111 -Sau961 -HincII* -HpaI -Nb.BssSI -BssSI	1574 Mfel BstAPI -Acul -NtAlwi# -Alwi#

ซ้ายบน คือ หมายเลข GenBank ของยืนที่เราป้อนเข้าไป คือ M28443.1 ขวาบน ปุ่ม Download ผลการวิเคราะห์การตัดชิ้น DNA ด้วยเอนไซม์ตัดจำเพาะ ลองกดปุ่ม Download ดูครับ ว่าผลเป็นอย่างไร

NEBcutter	®				BioLabs [*] .new England	be INSPIRED drive DISCOVERY stay GENUINE
version 3.0.15				WELCOME G	UEST, SIGN IN OR SIGN UP 💮 FEEDBACK	? HELP
Create New Project	M28443.1					Download
Graphical View	Display 😧		Cleavage 😧	Supplier 😧	Site 😡	
Enzyme List	Circular	 1 cutters 2 cutters 	Blunt-End Cut Cuts 1 strand 5' Extension	 NEB Other supplier Not commercially available 	 Affected by CpG methylation # Afffected by other methylation () Ambiguous site 	
Sequence	Alternative	3 cutters	XI 3' Extension			
ORF Summary		List U cutters				
lanking Sites	Show flanks					
Sustom Digest	+			AMY2A		
esults For: Edit • Enzymes: - Supplier: NEB - Type: Type I, II, III, Homing, Nicking • ORFs: - Min: 100 aa - Loaded from input file equence Information: 574 bp, Linear C = 41%, AT = 59%	- * 0	-Ba Ba Bas	-Bgill -Bgill -BtgZI http:// p12861 YI	-Peti -Sbfi -Afilli -Peti -Bsali -EcoRV -Bsali -Bsal -PfiMi gi	1 -Acil - -PluTI- -Sfol* -BaaHi -Narie -Baal -Kasiv -Baal -Baal -Kasiv -Baal -Kasiv -Baal -Kasiv -Baal	574

กดปุ่ม Download จะมีรูปแบบไฟล์ให้เลือกหลายแบบ

หากจะนำไปใช้ในงานพิมพ์ ขยายใหญ่ ๆ เท่าฝาบ้าน แนะนำให้ใช้ไฟล์แบบ EPS แต่นิสิต ต้องมีโปรแกรมที่อ่านไฟล์ EPS ได้ เช่น Adobe Photoshop สำหรับงานทั่ว ๆ ไป เช่น แปะรายงาน ปัญหาพิเศษ วิทยานิพนธ์ ใช้ไฟล์ JPG หรือ PNG ก็พอครับ ส่วน PDF คงไม่ต้องอธิบาย นิสิตทุกคนรู้จักดีอยู่แล้ว

Download

Choose a preferred file type below to export graphics. For publication-quality graphics, we recommended downloading the EPS format, or exporting at a JPG or PNG at a resolution of 300dpi.

To print the whole screen, please use the print feature in your web browser.

SVG
EPS (high-resolution/publication-quality)
PDF
JPG at a resolution of 300 V dpi
PNG at a resolution of 300 v dpi
Submit Close

 \times

มาดูแผนผังด้านล่างบ้าง ลักษณะแผนผังแบบนี้ มีคำศัพท์ทางเทคโนโลยีชีวภาพ เรียกว่า Restriction mapping แปลว่า แผนที่การตัดด้วยเอนไซม์ตัดจำเพาะ



แผนที่นี้ จะแสดงตำแหน่งลำดับนิวคลีโอไทด์ของ DNA ของยืนที่เราเอามาวิเคราะห์ ตั้งแต่ลำดับที่ 1 ซ้ายสุด ถึงตัวสุดท้ายคือ 1574 ทางขวาสุด ส่วนแถบสีเทาด้านบน คือตำแหน่งและทิศทางของ ORF (ถ้าจำไม่ได้ว่า ORF คืออะไร กลับไปอ่านเรื่อง ORF Finder ที่ผ่านมานะครับ)



กรณีนี้ โปรแกรม NEB Cutter ยังดึงข้อมูลชื่อยีนของ ORF มาให้ด้วย คือ AMY2A ถ้านิสิตสนใจว่า AMY2A คือยีนอะไร ก็ค้น Google ดูต่อนะครับ และถ้านิสิตเอาเมาส์หรือเคอร์เซอร์รูปมือ ไปชี้ตรงเอนไซม์ EcoRI ก็จะปรากฏคำอธิบาย มาให้ว่า ตัดตรง GAATTC ที่ตำแหน่ง 821 ครับ



คราวนี้มาดู เมนูซ้ายกลาง Custom Digest ดูบ้าง คลิกที่ปุ่ม Custom Digest ดูครับ (Custom ในที่นี้แปลว่า ตามสั่ง ตามต้องการ) หมายถึง การย่อยหรือตัดยีน ด้วยเอนไซม์ที่เราเลือกตามต้องการ ว่าจะตัดด้วยเอนไซม์ อะไรดี



เราสามารถตัดด้วยเอนไซม์หลาย ๆ ชนิดพร้อมกันก็ได้ DNA ของเราก็จะขาดเป็นท่อน ๆ ตามจำนวนครั้งของการตัด แต่สำหรับวันนี้ ลองตัดด้วยเอนไซม์ชนิดเดียว พอเป็นไอเดีย คือ EcoRI ดูครับ ก็ติ๊กเลือก EcoRI แล้วกดปุ่ม Digest สีส้มขวามือ

version 3.0.15				WELCO	ME GUEST, 8	BIGN IN OR SI	IGN UP 💬	FEEDBACK	? HELF
Create New Project	M28443.1								
Graphical View	Select Enzymes	Graj	bhical View	Enzyme List	F	ragments		Ge	l
Enzyme List									
Sequence	Buffer rCutSmart	Buffer 🗸		Specificity length betw	veen: 1.5 🗸	bp – 1.5 🛰	bp		
DRF Summarv	End produced BI	unt 🗸		Number of sites ≥ ¥	c	ut			
lanking Sites	Non-palindromic	Enzymes that flank re	gion	bp Ok					
Custom Digest									/
• Enzymes:	Enter enzyme name Select Enzyme All	^	Recognition Sequence	^	Cuts ^		% ac	tivity in:	Diges
- Supplier NEB									
- Supplier: NEB - Type: Type I, II, III, Homing,						r1.1	r2.1	r3.1	rCS
 Supplier: NEB Type: Type I, II, III, Homing, Nicking ORFs: 	U Upm		GALIC		4	r1.1	r2.1	r3.1	rCS
 Supplier: NEB Type: Type I, II, III, Homing, Nicking ORFs: - Min: 100 aa 	Dpnii		GA_TC		4	r1.1	r2.1	r3.1	rCS
 Supplier: NEB Type: Type I, II, III, Homing, Nicking ORFs: Min: 100 aa Loaded from input file 	Dpnii Drai		GA_TC GATC_ TTT_AAA		4 4 1	r1.1 100 25 75	r2.1 100 25 75	r3.1 75 100* 50	rCS 100 25 100
- Supplier: NEB - Type: Type I, II, III, Homing, Nicking • ORFs: - Min: 100 aa - Loaded from input file	DpnII Dral Eael		GATC TTT AAA Y GGCC R		4 4 1 3	r1.1 25 75 10	r2.1 25 75 50	r3.1 73 100* 50 10	rCS 100 25 100 100
- Supplier: NEB - Type: Type I, II, III, Homing, Nicking • ORFs: - Min: 100 aa - Loaded from input file equence Information: 3 i74 bp, Linear C = 41% AT = 59%	Dpnii Dpnii Drai Eael EcoP15i		GATIC GATC TTT_AAA Y GGCC_R CAGCAG(N)25 NN		4 4 1 3 4	r1.1 25 75 10 75	r2.1 100 25 75 50 100	r3.1 75 100* 50 10 100	rCS 100 25 100 100 100
- Supplier: NEB - Type: Type I, II, III, Homing, Nicking • ORFs: - Min: 100 aa - Loaded from input file equence Information: 574 bp, Linear C = 41%, AT = 59% elections: Clear all	Dpnii Dpnii Drai Eael EcoP15i EcoRi		GATIC GATC TTT_AAA Y`GGCC_R CAGCAG(N)25`NN		4 4 1 3 4	r1.1 25 75 10 75 25	r2.1 75 50 100 100*	r3.1 100* 50 10 100 50	rCS 100 25 100 100 100 50*
 Supplier: NEB Type: Type I, II, III, Homing, Nicking ORFs: Min: 100 aa Loaded from input file Equence Information: 2 174 bp, Linear C = 41%, AT = 59% Elections: clear all 	Dpnii Dpnii Dral Eael EcoP15i EcoRi EcoRi		GATC GATC TTT AAA Y GGCC R CAGCAG(N) ₂₅ NN G AATT C		4 1 3 4 1	r1.1 25 75 10 75 25 10	r2.1 25 75 50 100 100* 100	r3.1 100* 50 10 100 50 50 10	rCS 100 25 100 100 100 50* 100
 Supplier: NEB Type: Type I, II, III, Homing, Nicking ORFs: Min: 100 aa Loaded from input file equence Information: 2 i74 bp, Linear C = 41%, AT = 59% elections: clear all EcoRI 	Dpnii Dpnii Drai Eael EcoP15i EcoRi EcoRi EcoRV		GATC "GATC TTT_AAA Y"GGCC_R CAGCAG(N) ₂₅ "NN G"AATT_C		4 4 1 3 4 1	r1.1 25 75 10 75 25 10 10	r2.1 25 75 50 100 100* 100 50	r3.1 100* 50 10 100 50 50 10 10 100	rCS 25 100 100 100 50* 100 100
 Supplier: NEB Type: Type I, II, III, Homing, Nicking ORFs: Min: 100 aa Loaded from input file Equence Information: 574 bp, Linear C = 41%, AT = 59% Elections: Clear all EcoRI 	Dpnii Dpnii Drai Eael EcoP15i EcoRi EcoRi EcoRV EcoRV-HF		GA_TC "GATC_ TTT_AAA Y"GGCC_R CAGCAG(N) ₂₅ "NN_ G"AATT_C GAT_ATC		4 4 1 3 4 1 1	r1.1 25 75 10 75 25 10 10 10 25	r2.1 25 50 100 100 100* 50 100	r3.1 75 100* 50 10 100 50 10 100 100 100	rCS 25 100 100 100 100 50* 100 10 10
- Supplier: NEB - Type: Type I, II, III, Homing, Nicking • ORFs: - Min: 100 aa - Loaded from input file equence Information: • 574 bp, Linear C = 41%, AT = 59% elections: clear all × EcoRI	Copini Copini Dpnili Cral Eael EcoP151 EcoR1 EcoRV EcoRV-HF EcoRV-HF		GA_TC TITT_AAA Y*GGCC_R CAGCAG(N) ₂₅ *NN G*AATT_C GAT_ATC *CATG		4 1 3 4 1 1 1 7	r1.1 25 75 10 75 25 10 10 25 10 25 10	r2.1 25 75 50 100 100° 100° 50 100 100	r3.1 100* 50 10 100 50 10 100 100 100 50	rCS 25 100 100 100 50* 100 10 100 50
- Supplier: NEB - Type: Type I, II, III, Homing, Nicking • ORFs: - Min: 100 aa - Loaded from input file sequence Information: 574 bp, Linear SC = 41%, AT = 59% selections: Clear all ∝ EcoRI	Dpnii Dpnii Drai Eaei EcoP15i EcoRi EcoRV EcoRV+FF Fati Foki		GATC GATC TTT AAA Y GGCC R CAGCAG(N)25 NN G AATT C GAT ATC CATG GGATG(N)0 NNNN		4 1 3 4 1 1 7 5	r1.1 75 75 10 75 25 10 10 25 10 25 10 10	r2.1 25 50 100 100 100 50 100 100 100 100	r3.1 100* 50 10 100 50 10 50 100 100 100 50 75	rCS 100 25 100 100 50* 100 100 100 50 100

คราวนี้ Restriction map ของเราก็จะเหลือแค่เอนไซม์ตัวเดียว ที่เราเลือกคือ EcoRI และตัดในช่วงกลาง ๆ ของยีนพอดี นิสิตลองกดแถบ Fragments ดูครับ



ก็จะมีตารางให้ดูว่า ผลการตัด DNA ของเรา ได้ 2 ชิ้น คือ ชิ้นแรก จากปลายด้านซ้ายถึง ตำแหน่งที่ถูกตัดด้วย EcoRI กับชิ้นที่สอง จาก EcoRI ถึงปลายด้ายขวา ชิ้นแรกยาว 821 คู่เบส ชิ้นที่สองยาว 753 คู่เบส (ชิ้นแรกยาวกว่าชิ้นที่สอง)

NEBcutter	B					B	NEW ENGLAND BioLabs Inc. drive DISCOVERY nay GENUINE
version 3.0.15					WELCOME GUEST, SIG	N IN OR SIGN UP	
Create New Project	M284	43.1					
Graphical View	Sel	lect Enzymes	Graphical View	Enzyme Lis	t Frag	ments	Gel
Enzyme List	Methyl	ation 😧			,		
Sequence	Сро	G Dam	Dcm				
ORF Summary	Eco	BI Ecoki			<u> </u>	1	
Flanking Sites	#	Ends		Coordinates ^	Length (bp)	Affected by	/ Methylation
	1	(LeftEnd) - EcoRI		1-821	821		
Custom Digest	2	EcoRI - (RightEnd)		822-1574	753		
Results For: Edit • Enzymes: • Supplier: NEB • Type: Type I, II, III, Homing, Nicking • ORFs: • Min: 100 aa • Loaded from input file							
Sequence Information: 😧							
1574 bp. Linear							

ที่นี้มากดแถบ Gel ขวาสุดดูครับ Gel คือ การนำชิ้น DNA ที่เราตัดเสร็จแล้ว มาวิเคราะห์ด้วยวิธี Gel Electrophoresis คือการเอา DNA มาใส่ในช่องของเจลหรือวุ้น แล้วปล่อยกระแสไฟฟ้า ชิ้น DNA จะ เคลื่อนที่ไปตามกระแสไฟฟ้าในเจล ชิ้นใหญ่จะเคลื่อนที่ได้ระยะทางสั้นกว่าชิ้นเล็ก



ก็จะได้ภาพจำลองของการทดลอง Gel Electrophoresis ที่จะปรากฏแถบ DNA ขึ้น 2 แถบ โดยแถบบน ลูกศรสีเขียว คือ ชิ้นใหญ่ ความยาว 821 คู่เบส ส่วนชิ้นเล็ก สั้นกว่า ความยาว 753 คู่เบส ก็จะอยู่ด้านล่าง ก็ขอจบการใช้งาน NEB Cutter เบื้องต้นเพียงเท่านี้ครับ

Graphical View	Select Enzymes	Graphical View	Enz	yme List	Fragments		Gel
Enzyme List			Para	matars 0	Color 9		
Sequence	Gel: Agarose	♥ 0.7%	✓ Leng Time	th: 102 mm	White on I Black on V	black vhite	
ORF Summary	Marker: None	•	Flee	tical Field:	liem		
Flanking Sites	Methylation 🔮 🔄 Mark a	ffected bands	Ok	Reset			
Custom Digest	EcoBl EcoKl						
	Unmethylated		List: U	InMethylated Lane V			
esults For: Edit • Enzymes:	Size (bp)		#	Ends	Coordinates	Length (bp)	Affected by Methylation
- Type: Type I, II, III, Homing,			1	(LeftEnd) - EcoRI	1-821	821	
Nicking	10000		2	EcoRI - (RightEnd)	822-1574	753	
 - Min: 100 aa - Loaded from input file 	5000						
equence Information: 😧	-						
574 bp, Linear							
C = 41%, AT = 59%							
	1000						
	500						